

استفاده از روش PCR برای تشخیص باکتریال واژینوز بس

در زنان مشکوک به واژینوز در استان گیلان

اسماعیل روح بخش^۱، دکتر علی مجتبهدی^۲، دکتر رمضانعلی خاوری نژاد^۳،

*^۴ دکتر نور امیرمظفری

۱. دانشجوی Ph.D. گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم، دانشگاه علوم تحقیقات تهران، تهران، ایران.
۲. دانشیار گروه میکروبشناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، رشت، ایران.
۳. استاد گروه بیولوژی، دانشکده علوم، دانشگاه علوم تحقیقات تهران، تهران، ایران.
۴. استاد گروه میکروبشناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی ایران، تهران، ایران.

تاریخ دریافت: ۱۳۹۷/۰۹/۱۰ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۷/۱۲/۰۷

خلاصه

مقدمه: واژینوز باکتریایی، شایع‌ترین عفونت دستگاه تناسلی تحتانی در زنان سنین باروری است. عامل ایجادکننده آن، اغلب باکتری گاردنلا واژینالیس است که در همیاری با سایر باکتری‌های بی‌هوایی مانند اتوپوبیوم واژینه، موبیلنکوس کورتسی و مگاسفرا نوع یک، در ایجاد این عارضه دخالت دارد. مطالعه حاضر با هدف معیارهای سنجش مولکولی (PCR) در شناسایی و تشخیص واژینوز باکتریال در زنان انجام شد.

روش کار: این مطالعه توصیفی از شهریور سال ۱۳۹۵ تا مهر ۱۳۹۶ ۱۰۰ زن مراجعه کننده به درمانگاه زنان و زایمان بیمارستان الزهراء و مطب‌های خصوصی شهر رشت انجام شد. این افراد از لحاظ واژینوز باکتریال مورد معاینه و آزمایش قرار گرفتند. حضور گاردنلا واژینالیس با استفاده از ۵ روش مختلف آزمایشگاهی بر اساس معیارهای آرسل و مولکولی شامل: تعیین مشخصات ظاهری، تعیین pH، آزمایش وايف و مشاهده Clue cell در اسپیر مستقیم و انجام واکنش زنجیره‌ای پلیمراز (PCR) با استفاده از پرایمرهای اختصاصی بر روی DNA استخراج شده از نمونه‌های واژینال مورد ارزیابی قرار گرفت. تجزیه و تحلیل داده‌ها با استفاده از نرمافزار آماری SPSS (نسخه ۲۱) و آزمون کای اسکوئر انجام شد. میزان p کمتر از ۰/۰۵ معنی‌دار در نظر گرفته شد.

یافته‌ها: در این مطالعه از مجموع ۱۰۰ زن مشکوک به عفونت واژن که مورد معاینه قرار گرفتند با استفاده از روش آرسل، در ۳۱ نفر (۳۱٪) عفونت واژینوزیس تأیید گردید. با استفاده از روش مولکولی PCR در این زنان مبتلا به واژینوزیس (روش آرسل)، باکتری گاردنلا واژینوزیس در ۱۴ نفر (۴۵٪) و آتوپوبیوم واژینه در ۱۰ نفر (۳٪) تأیید گردید.

نتیجه‌گیری: با استفاده از روش PCR مشخص شد گاردنلا واژینالیس و اتوپوبیوم واژینه در زنان ۱۸-۳۵ ساله مبتلا به واژینوز باکتریایی نقش بالایی دارد و بیان کننده نقش این دو باکتری در ایجاد بیماری واژینوز باکتریال است.

کلمات کلیدی: اتوپوبیوم واژینه، گاردنلا واژینالیس، واژینوز باکتریال، PCR

* نویسنده مسئول مکاتبات: دکتر نور امیرمظفری؛ دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی ایران، تهران، ایران. تلفن: ۰۲۱-۸۶۷۰۱؛ پست الکترونیک: amirmozafari@yahoo.com

مقدمه

واژینوز باکتریایی یک عارضه جدی برای زنان بهویژه زنان باردار محسوب می‌شود و نوعی تغییر در میکروبیوتای واژن است که با کاهش باکتری‌های مولد پراکسید هیدروژن و رشد بیش از اندازه باکتری‌های بی‌هوای همراه است و علت اصلی این عارضه به طور کلی در زنان شناخته نشده است. میکروب‌شناسی این بیماری پیچیده بوده و شامل میکروب‌های مانند گاردنلا و اژینالیس و آتوپوپیوم واژینه به همراه باکتری‌های بی‌هوای دیگر مانند گونه‌های موبیلنسما^۱، پیپتواسترپتوکوکوس و مایکوپلاسما هومینیس می‌باشد. بروز واژینیت در زنان باردار از ۴۰-۵۰٪ متفاوت بوده و شیوع آن در تهران در سال ۱۳۷۹ حدود ۲۳/۳٪ گزارش شده است. به طور طبیعی واژن دارای میزان بیشتری از باکتری‌های مفید و تعداد اندکی از باکتری‌های زیان‌آور می‌باشد (۱-۳). عودهای مکرر به علت تشکیل بیوفیلم گاردنلا و اژینالیس در واژن مشاهده شده است (۴-۸). واژینوز باکتریال به طور شایع در زنانی مشاهده شده که از نظر جنسی فعال هستند، اما کاملاً مشخص نشده که این عفونت از طریق جنسی منتقل می‌شود، زیرا درمان شریک جنسی مذکور در پیشگیری از عود مؤثر نبوده است. علی‌رغم درمان‌های موجود، میزان بروز واژینوز باکتریال راجعه در طی ۷ روز ۳۰٪ و ۳-۱۲ ماه پس از درمان، ۱۰۰-۴۱٪ گزارش شده است.

معیارهای شناسایی واژینوز باکتریال بر اساس ناگنت^۲، تست‌های تشخیصی آمسل^۲ و جستجوی مولکولی به خصوص باکتری‌های مانند گاردنلا و اژینالیس و اتوپوپیوم واژینه می‌باشد. افزایش ترشحات واژن همراه با بویی ناخوشایند، نشانه این بیماری است. این ترشحات در برخی زنان، بویی شبیه به بوی ماهی گندیده پیدا می‌کند (۴-۷). ناگنت و همکاران (۱۹۹۱) بر اساس روش امتیازدهی در اسمیرهای تهیه شده از واژن، از روش رنگ‌آمیزی گرم برای شناسایی باکتریال واژینوزیس استفاده نمودند. کشت، کمک خیلی زیادی به تشخیص واژینوز باکتریایی نمی‌کند، زیرا در افراد سالم

روش کار

این مطالعه توصیفی به منظور مقایسه روش PCR با آمسل متدهای تشخیص باکتریال واژینوزیس از شهریور ۱۳۹۵ تا مهر ۱۳۹۶ بر روی ۱۰۰ زن باردار و غیرباردار مراجعه‌کننده به کلینیک تخصصی زنان و زایمان در رشت انجام شد.

¹ mobiluncus
² Nugent

واژینال در تشخیص واژینوز باکتریال متفاوت بوده و از ۵۹/۵٪ تغییر است و همین امر موجب بروز نتایج مثبت کاذب در تشخیص واژینوز باکتریال و درمان‌های غلط و بی‌مورد در این زمینه می‌شود (۱۷، ۱۸).

استخراج DNA

جهت استخراج مستقیم DNA از نمونه‌های بالینی از کیت تخلیص شرکت یکتا تجهیز تحت عنوان (YTA Genomic Extraction Mini Kit for Blood/CulturedCell# YT9040 Top General Genomic) استفاده DNA Purification Kit-TGK1003 تشخیص توپاز زن (Blood/CulturedCell# TGK1003) استخراج شده، میزان جذب نمونه در نسبت ۲۶۰ به ۱/۸±۱ ۲۸۰ اندازه‌گیری و تعیین شد که در محدوده ۰-۲۶۰ به قابل قبول می‌باشد. همچنین توالی پرایمرهای مربوط به دو باکتری گاردنلا واژینالیس و اتوپوبیوم واژینه در جدول ۱ ارائه شده است.

رشت انجام شد. حجم نمونه با استفاده از فرمول طرح عاملی کامل و با در نظر گرفتن درجه اطمینان ۰/۹۵، $p=0/0.5$ و حداقل خطای ۰/۵٪، حداقل ۷۳ نفر برآورد گردید.

در این مطالعه به جهت اطمینان بیشتر، تمامی معاینات و نمونه‌برداری توسط یک نفر انجام گردید. توضیحات بیمار بر اساس وجود ترشحات، مقدمه انجام آزمایشات بود و نمونه‌ها با استفاده از اسپکولوم یکبار مصرف از ناحیه سرویکس زنان برای آزمایشات پاراکلینیکی برداشت گردید و دو نمونه هم بهوسیله سواب پنبه‌ای استریل جهت انجام تست‌های وايف، Clue cell و تعیین pH و یک نمونه سواب هم برای انجام عمل PCR به همراه محلول PBS برداشت گردید. روش تشخیص واژینت باکتریایی وجود سه معیار از چهار معیار (روش آمسل) می‌باشد. معیارهای خروج از مطالعه در بیماران شامل: بیماری سیستمیک، سابقه هرگونه مصرف دارو از جمله آنتی‌بیوتیک‌ها و نیز ترشحات واضح تریکومونایی یا کاندیدایی بود. میزان حساسیت ترشحات

جدول ۱- توالی پرایمرهای مورد استفاده در شناسایی اتوپوبیوم واژینه و گاردنلا واژینالیس

نام باکتری	نوع پرایمر	سکانس	دما آلتینگ	سایز زن (bp)	رفنس
گاردنلا واژینالیس	Forward Reverse	TTACTGGTGTATCACTGTAA CCGTCACAGGCTAACAGT	۳۳۰	۵۵	۲۵
اتوپوبیوم واژینه	Forward Reverse	TAGGTCAGGAGTTAAATCTG TCATGGCCCAGAAGACGCC	۱۵۵	۶۰	۲۵

آغازگرهای ۱۶ SrRNA که توالی‌های آنها در جدول ۱ ذکر شده است، همراه بود که پس از انتقال به ویال‌های مستر میکس خریداری شده، با آب م قطره دو بار تقطیر به حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر رسیده است. مراحل انجام واکنش در جدول ۲ و ۳ نشان داده شده است.

نحوه عمل PCR

پس از استخراج DNA ژنومی، واکنش زنجیره‌ای پلیمر از PCR در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر با دستگاه ترموسایکلر انجام گرفت. هر واکنش شامل ۴ میکرولیتر از DNA استخراج شده به همراه ۲ میکرولیتر از

جدول ۲- فرآیند PCR برای باکتری آتوپوبیوم واژینا

مراحل	دما (درجه سانتی‌گراد)	زمان	تعداد سیکل	دما (درجه سانتی‌گراد)
۱- واسرشت اولیه (Denaturation Initial)	۹۵	۴ دقیقه	۳۰ سیکل	
۲- واسرشت (Denaturation)	۹۵	۱ دقیقه		
۳- اتصال پرایمرها (Annealing)	۵۵	۱ دقیقه		
۴- سنتز (Extension)	۷۲	۱ دقیقه		
۵- سنتز نهایی (Final Extension)	۷۲	۷ دقیقه		

جدول ۳- فرآیند PCR برای باکتری آتوپوپیوم واژینا

تعداد سیکل	زمان	دما (درجه سانتی گراد)	مراحل
۵ دقیقه		۹۴	- واسرت اولیه (Denaturation Initial)
۲۵ سیکل	۴۵ ثانیه	۹۴	- واسرت (Denaturation)
	۶۰ ثانیه	۶۰	- اتصال پرایمرها (Annealing)
	۴۵ ثانیه	۷۲	- استندر (Extension)
	۷۲ ثانیه	۷۲	- استندر نهایی (Final Extension)

اسکوئر انجام شد. میزان p کمتر از 0.05 معنی دار در نظر گرفته شد.

یافته ها

بر اساس داده های دموگرافیک افراد مراجعه کننده به کلینیک و مطابق جدول ۴، در زنان مطلقه ای که به دلیل مشکلات واژینوزیس مورد معاینه و آزمایشات قرار گرفتند نسبت به سایر زنان متاهل و مجرد، درصد بیشتری از افراد به واژینوزیس مبتلا بودند ($38/5\%$) و این درصد برای افراد متأهل و مجرد به ترتیب 27% و 38% بود.

برای مشاهده نتیجه تکثیر هر یک از ژن های مورد مطالعه، الکتروفورز بر روی ژل اگارز $1/2\%$ در شرایط 15°C ولت در بافر TBE تجاری انجام شد (۱۹).

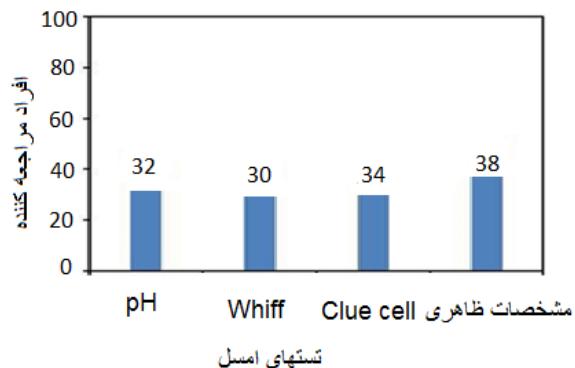
برای تعیین توالی محصول PCR پس از مشاهده قطعات تکثیر یافته به ترتیب در محدوده 155 و 330 جفت باز برای آتوپوپیوم واژینه و گاردنلا واژینالیس روی دستگاه الکتروفورز، برای تأیید نهایی قطعات تکثیر شده با PCR به همراه پرایمرهای فوروارد و رورس مربوطه برای شرکت توپاز ژن (نمایندگی شرکت میکروسننس سوییس) ارسال گردید. تجزیه و تحلیل داده ها با استفاده از نرم افزار آماری SPSS (نسخه ۲۱) و آزمون کای

جدول ۴- مشخصات دموگرافیک زنان مراجعه کننده

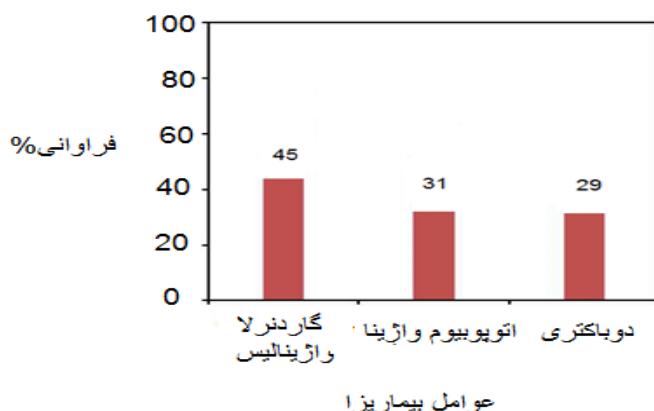
سطح معنی داری*	تعداد	افراد B.V. مثبت (۳۹ نفر)	افراد B.V. منفی (۶۹ نفر)	گروه	متغیرها	
					تعداد	درصد
$0/31$	(۱۹) ۱۳		(۲۷/۳) ۸	مجرد		سطح
	(۷۰) ۴۸		(۵۹) ۱۸	متأهل		زندگی
	(۱۱) ۸		(۱۳/۷) ۵	مطلقة		
$0/52$	(۳۴) ۲۳		(۴۱) ۱۳	کارمند		وضعیت
	(۵۳) ۳۷		(۴۵) ۱۴	خانه دار		شغلی
	(۱۳) ۹		(۱۴) ۴	سایر شغل ها		
$0/63$	(۱/۴) ۱		-	بی سواد		
	(۷۵/۳) ۵۲		(۶۷/۷) ۲۱	میزان سواد	زیر دیپلم و دیپلم	
	(۲۳/۳) ۱۶		(۲۳/۳) ۱۰	بالای دیپلم	بالای دیپلم	آزمون کای دو*

میانگین سنی افراد مراجعه کننده $34/84 \pm 10/04$ و میزان pH در محدوده $4/5$ تا $5/5$ بوده و در تست Whiff بوی ماهی گندیده بهوضوح قابل مشاهده بود که نتایج آزمایشات مربوط به آمسل و PCR به ترتیب در نمودار ۱ و ۲ ارائه شده است.

از میان ۱۰۰ زن مراجعه کننده به کلینیک تخصصی زنان در رشت با استفاده از تست آمسل واژینوز باکتریایی در ۳۱ مورد (31%) مثبت بود و با استفاده از PCR ۱۴ مورد (45%) گاردنلا واژینالیس مثبت گزارش شد و برای آتوپوپیوم واژینه، ۱۰ مورد (32%) مثبت بود.



نمودار ۱- تستهای آمسل برای ۱۰۰ نفر از زنان مشکوک به واژینوز باکتریال



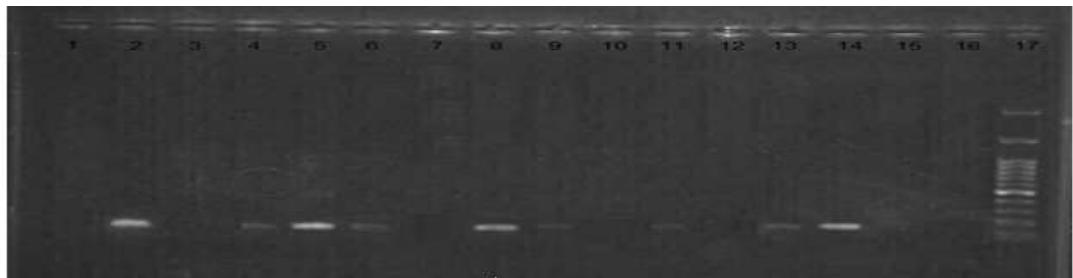
نمودار ۲- فراوانی باکتری گاردنرلا و اژینالیس و آتوچتونیک و اژینالیس در زنان مبتلا به واژینوز باکتریال به روش PCR

الکتروفورز دو باکتری در شکل های ۱ و ۲ ارائه شده است.

پس از انجام مراحل PCR، الکتروفورز و مشاهده باند در نواحی ۳۳۰ و ۱۵۵ برای دو باکتری مذکور، نمونه های



شکل ۱- عکس ژل آکاروز الکتروفورز شده نمونه های واژینال گاردنرلا و اژینالیس. لاین ۱ نمونه کنترل مثبت (330 bp)، لاین ۲ کنترل منفی، لاین ۳، ۷، ۸، ۱۰، ۱۲، ۱۳، ۱۴، ۱۵، ۱۶، ۱۷ نمونه های مثبت از نظر گاردنرلا و اژینالیس به دست آمده از ژنوم استخراج شده مستقیم از نمونه های واژینال در بافر فسفات (PBS). لاین ۱۷ استاندارد وزن مولکولی DNA (1 kb Ladder).



شکل ۲- عکس ژل آگاروز الکتروفورز شده نمونه‌های واژینال. لاین ۱ نمونه کنترل منفی (155 bp)، لاین ۲ کنترل مثبت، لاین ۵، ۸، ۱۴ نمونه‌های مثبت از نظر آتوپوبیوم واژینا به دست آمده از ژنوم استخراج شده مستقیم از نمونه‌های واژینال در بافر فسفات (PBS). لاین ۱۷ استاندارد وزن مولکولی (1 kb Ladder) DNA.

شد و ۹۸٪ از نمونه‌ها برای آتوپوبیوم واژینا مثبت بودند (۲۴).

در مطالعه هارדי و همکاران (۲۰۱۵) در ارتباط با تشکیل بیوفیلم واژینوز باکتریایی در واژن، ۶۰٪ آتوپوبیوم واژینا و ۸۰٪ گاردنلا واژینالیس در نمونه‌های جدا شده از بیوفیلم زنان مثبت شد (۲۲). در مطالعه مفتون و همکاران (۲۰۱۶) شیوع باکتریال واژینوز در تهران ۳۷٪ و میزان آتوپوبیوم واژینه در زنان دارای واژینوزیس ۶۵٪ گزارش شد که بیشتر از مطالعه حاضر بود (۲۶). همانگونه که در مطالب فوق اشاره شد، در نتایج به دست آمده از مطالعات مختلف که در ارتباط با واژینوز باکتریایی گاردنلا واژینالیس و آتوپوبیوم واژینا صورت گرفت، گزارشات متناقضی وجود دارد که علت این تناقضات می‌تواند به واسطه فاکتورها و عواملی مانند نحوه انتخاب بیماران، کم بودن نمونه‌ها، استفاده از روش‌های تشخیصی متفاوت، تفاوت در توزیع جغرافیایی جمعیت‌ها، حضور فاکتورهای مداخله‌ای از قبیل فاکتورهای اجتماعی، اقتصادی، فعالیت‌های جنسی و ... باشد.

با توجه به نتایج به دست آمده از این تحقیق، درصد نسبتاً بالایی از زنان دارای واژینوز باکتریایی به این دو باکتری آلوهداند.

علی‌رغم اینکه روش PCR، روش حساس و دقیقی می‌باشد، در مقایسه با روش آمسل، تعداد موارد مثبت آن با اندکی تفاوت نسبت به تست آمسل، کمتر گزارش شده است. بنابراین در بررسی آزمایشگاهی برای درمان بیماران مبتلا به واژینوزیس، با توجه به امکانات نسبتاً محدود در مراکز بالینی و آزمایشگاهی در سطح کشور، فعلًاً انجام روش آمسل نسبت به PCR ارجحیت داشته

بحث

شیوع واژینوز باکتریال در بارداری بین ۳۰-۱۰٪ برآورد شده است که از این تعداد، حدود ۷۵٪ موارد بدون علامت بالینی می‌باشند (۱۵). در مطالعه حاضر از مجموع ۱۰۰ نفر وارد شده به مطالعه، ۳۱ نفر مبتلا به واژینوز باکتریال بودند که میزان شیوع واژینوز باکتریال ۳۱٪ گزارش شد که با نتایج مطالعه توانا و همکاران (۲۰۱۰) که شیوع واژینوز باکتریال را ۲۳٪ گزارش کردند، مشابه بود (۱۶). در مطالعه اسگبو و همکاران (۲۰۱۸) از ۲۳۰ نمونه سواپ واژینال برداشت شده، شیوع باکتریال واژینوزیس معادل ۲۳٪ گزارش شد که با نتایج مطالعه حاضر همخوانی داشت (۲۳).

در مطالعه حاضر، شیوع گاردنلا واژینالیس در زنان با تشخیص واژینوز باکتریایی ۴۵٪ و شیوع آتوپوبیوم واژینا در زنان با تشخیص واژینوز باکتریایی ۳۱٪ بود و همراهی این دو باکتری با هم ۲۹٪ بود که در محدوده درصدهای گزارش شده مقالات فوق می‌باشد. بر اساس نتایج مطالعه برداش و همکاران (۲۰۰۶)، آتوپوبیوم واژینا در ایجاد واژینوز باکتریایی نسبت به گاردنلا واژینالیس اختصاصیت بیشتری دارد و در مطالعه برداش، شیوع گاردنلا واژینالیس در زنان دارای واژینوز باکتریایی ۱۰۰٪ گزارش شد (۲۴).

در مطالعه مارزو و همکاران (۲۰۰۶) از ۱۰۰ نمونه سواپ واژینال، در ۴۱ نمونه (۴۸٪) گاردنلا واژینالیس مثبت بود که با مطالعه حاضر که ۴۵٪ گاردنلا واژینالیس یافت شد، تقریباً همخوانی داشت (۲۱).

همچنین در مطالعه متارد و همکاران (۲۰۱۲)، ۹۸٪ از نمونه‌های واژینوز باکتریایی جدا

باکتری بهمنظور درمان صحیح بیماران، جلوگیری از عوارض جانبی ابتلاء به این باکتری‌ها کمک شایانی به پزشکان متخصص به عمل خواهد آورد.

تشکر و قدردانی

بدین‌وسیله از سرکار خانم دکتر زهرا روح‌بخش که ما را در انجام این مطالعه باری کردند، تشکر و قدردانی می‌شود.

و این روش می‌تواند برای تشخیص و درمان این بیماری برای متخصصین زنان استفاده شود.

نتیجه‌گیری

بر اساس نتایج مطالعه حاضر، ممکن است دیگر گونه‌های میکروبی عامل واژینوز با گزارش کمتر وجود داشته باشد که مستلزم تشخیص دقیق می‌باشد. همچنین نکته حائز اهمیت، افتراق آتوپویوم واژینا عامل غیرشایع واژینوزیس از گاردنلا واژینالیس به روش مولکولی می‌باشد که این شناسایی دقیق نوع

منابع

1. Parhizkar A. Prevalence of symptomatic vaginal infections and its relation with contraceptive methods. The Collective Congress of Nursing & Midwifery. Kermanshah University of Medical Science, Kermanshah, Iran; 2003. P. 3-4.
2. Rouse AG, Gil KM, Davis K. Diagnosis of bacterial vaginosis in the pregnant patient in an acute care setting. Arch Gynecol Obstet 2009; 279(4):545-9.
3. Polatti F. Bacterial vaginosis, Atopobium vaginae and nifuratel. Curr Clin Pharmacol 2012; 7(1):36-40.
4. Nugent RP, Krohn MA, Hillier SL. Reliability of diagnosing bacterial vaginosis is improved by a standardized method of gram stain interpretation. J Clin Microbiol 1991; 29(2):297-301.
5. Bukusi EA, Cohen CR, Meier AS, Waiyaki PG, Nguti R, Njeri JN, et al. Bacterial vaginosis: risk factors among Kenyan women and their male partners. Sex Transm Dis 2006; 33(6):361-7.
6. Discacciati MG, Simoes JA, Amaral RG, Brolazo E, Rabelo-Santos SH, Westin MC, et al. Presence of 20% or more clue cells: an accurate criterion for the diagnosis of bacterial vaginosis in Papanicolaou cervical smears. Diagn Cytopathol 2006; 34(4):272-6.
7. Aminzadeh Z, Fadaeian A. Reactive arthritis induced by bacterial vaginosis: prevention with an effective treatment. Int J Prev Med 2013; 4(7):841-4.
8. Rodriguez Jovita M, Collins MD, Sjödén B, Falsen E. Characterization of a novel Atopobium isolate from the human vagina: description of Atopobium vaginae sp. nov. Int J Syst Bacteriol 1999; 49(4):1573-6.
9. Baisley K, Changalucha J, Weiss HA, Mugye K, Everett D, Hambleton I, et al. Bacterial vaginosis in female facility workers in north-western Tanzania: prevalence and risk factors. Sexual Transm Infect 2009; 85(5):370-5.
10. Vos P, Garrity G, Jones D, Krieg NR, Ludwig W, Rainey FA, et al. Bergey's manual of systematic bacteriology: Volume 3: The Firmicutes. Berlin, Germany: Springer Science & Business Media; 2011.
11. Chan JF, Lau SK, Curreem SO, To KK, Leung SS, Cheng VC, et al. First report of spontaneous intrapartum Atopobium vaginae bacteraemia. J Clin Microbiol 2012; 50(7):2525-8.
12. Ferris MJ, Masztal A, Martin DH. Use of species-directed 16S rRNA gene PCR primers for detection of Atopobium vaginae in patients with bacterial vaginosis. J Clin Microbiol 2004; 42(12):5892-4.
13. Landers DV, Wiesenfeld HC, Heine RP, Krohn MA, Hillier SL. Predictive value of the clinical diagnosis of lower genital tract infection in women. Am J Obstet Gynecol 2004; 190(4):1004-10.
14. Smart S, Singal A, Mindel A. Social and sexual risk factors for bacterial vaginosis. Sex Transm Infect 2004; 80(1):58-62.
15. Nelson A, De Soyza A, Perry JD, Sutcliffe IC, Cummings SP. Polymicrobial challenges to Koch's postulates: ecological lessons from the bacterial vaginosis and cystic fibrosis microbiomes. Innate Immun 2012; 18(5):774-83.
16. Tavana Z, Zolghadri J, Hadaiegh MJ, Pourdast T. The effect of treatment of bacterial vaginosis on pregnancy outcome. Iran J Obstet Gynecol Infertil 2010; 13(5):1-7. (Persian).
17. Kazamzadeh M, Kashanian M, Sedaghat M. Evaluation and comparison of the pathogenic agents and risk factors of bacterial vaginosis. Iran J Obstet Gynecol Infertil 2010; 13(4):9-13. (Persian).
18. Yaghmaei M, Arbabi Kalati F, Jahantigh M, Roudbari M, Soltani B. Accuracy of amsel's criteria in the diagnosis of bacterial vaginosis (preliminary report). Iran J Obstet Gynecol Infertil 2009; 12(3):17-22. (Persian).

19. Tafazoli M, Saki N, Mazloum SR, Rakhshandeh H, Shirazi M. Relationship between personal and medical factors with bacterial vaginosis recurrence in women referred to gynecologic clinics Tamin Ejtemaei, Mashhad, 2015. Iran J Obstet Gynecol Infertil 2016; 19(33):7-14. (Persian).
20. Jafarnezhad F, Kiyani Mask M, Rakhshandeh H, Taghi Shakeri M. Comparison of the percentage of medical success for Phytovagex vaginal suppository and Metronidazole oral tablet in women with bacterial vaginosis. Iran J Obstet Gynecol Infertil 2017; 20(3):29-39. (Persian).
21. Marrazzo JM, Wiesenfeld HC, Murray PJ, Busse B, Meyn L, Krohn M, et al. Risk factors for cervicitis among women with bacterial vaginosis. J Infect Dis 2006; 193(5):617-24.
22. Hardy L, Jespers V, Dahchour N, Mwambarangwe L, Musengamana V, Vaneechoutte M, et al. Unravelling the bacterial vaginosis-associated biofilm: a multiplex Gardnerella vaginalis and Atopobium vaginae fluorescence in situ hybridization assay using peptide nucleic acid probes. PLoS One 2015; 10(8):e0136658.
23. Asiegbu OG, Asiegbu UV, Onwe B, Iwe AB. Prevalence of bacterial vaginosis among antenatal patients at federal teaching hospital Abakaliki, South East Nigeria. Open J Obstet Gynecol 2018; 8(01):75.
24. MENARD, J.-P., et al. Self-collected vaginal swabs for the quantitative real-time polymerase chain reaction assay of Atopobium vaginae and Gardnerella vaginalis and the diagnosis of bacterial vaginosis. European journal of clinical microbiology & infectious diseases, 2012, 31.4: 513-518 .
25. Malaguti N, Bahls LD, Uchimura NS, Gimenes F, Consolaro ME. Sensitive detection of thirteen bacterial vaginosis-associated agents using multiplex polymerase chain reaction. Biomed Res Int 2015; 2015:645853.
26. Maftoon H, et al. Prevalence Atopobium vagina in vaginal samples of symptomatic non-pregnant women. Koomeh, 2016, 18.1.

27.